



UNIVERZITNÁ NEMOCNICA BRATISLAVA

Pažítková 4, 821 01 Bratislava

Pracovisko: Nemocnica Staré Mesto, Mickiewiczova 13, 813 69 Bratislava

**Ústav lekárskej biologie, genetiky a klinickej genetiky LFUK a UNB**

*Oddelenie molekulovej a biochemickej genetiky – expertizne pracovisko pre zriedkavé choroby  
cgd@sm.unb.sk, tel. 02/57290 192*

**Sprievodný list k molekulárno genetickému vyšetreniu  
Familiárna hypercholesterolémia**

Meno a priezvisko	Adresa odosielajúceho pracoviska, tel. č.
Dátum narodenia	Pohlavie <input type="checkbox"/> muž <input type="checkbox"/> žena
Rodné číslo	Dátum a čas odberu
Materiál	Pečiatka, kód a podpis lekára
Zdravotná poisťovňa (kód)	Diagnóza (MKCH)

Klinický obraz, osobná anamnéza, fyzikálny nález (xantomy, xantelazmy, arcus cornealis), laboratórny nález

Ďalšie diagnózy (endokrinopatia, pečeňové, obličkové ochorenie)

Liečba:

**Skóre podľa DLCN\*:**

Meno a priezvisko pacienta/príbuzného (vzťah k pacientovi)	TC mmol/l	LDL-C mmol/l	HDL-C mmol/l	TAG mmol/l	KV ochorenie + vek manifestácie, fyzikálny nález
1.					
2.					
3.					
4.					

**Požadujete vyšetrenie génu:**

**APOB     LDLR     MLPA LDLR \*\*     PCSK9 \*\*\***

**Pre indikáciu vyšerenia je potrebné, aby pacient splnil kritériá podľa DLCNS uvedené na druhej strane a aby boli tieto uvedené v žiadanke!!!**

\* Molekulovo genetické vyšetrenie je indikované v prípade skóre podľa DLCN (Dutch Lipid Clinic Network) nad 5 (v prípade definitívnej alebo pravdepodobnej diagnózy, Nordestgaard et al., 2013, consensus statement of the european atherosclerosis society)

\*\* v prípade nepotvrdenia prítomnosti patogénneho variantu v géne *LDLR* sekvenčnou analýzou

\*\*\* v prípade \*\* a nepotvrdenia prítomnosti delécie/duplikácie metódou MLPA v géne *LDLR*

Materiál zaslaný na vyšetrenie: **plná krv, odber ako na krvný obraz (do EDTA minim. aspoň 1 ml)**

## Kritériá pre stanovenie diagnózy FH u dospelých: modifikované podľa DLNCS

Rodinná anamnéza	skóre
prvostupňový príbuzný s predčasným koronárnym a/alebo cievnym ochorením (muži <55, ženy <60 rokov)	1
alebo	
prvostupňový príbuzný s LDL-C nad 95 percentilom pre vek a pohlavie	
prvostupňový príbuzný s tendinóznymi xantómami a/alebo arcus cornealis alebo deti mladšie 18 rokov sLDL-C nad 95 percentilom pre vek a pohlavie	2
Osobná anamnéza	
pacient s predčasným CAD – koronárne artériové ochorenie (muži <55, ženy <60 rokov)	2
pacient s predčasným cerebrálnym alebo periférnym cievnym ochorením (muži <55, ženy <60 rokov)	1
Fyzikálny nález	
tendinózne xantómy	6
arcus cornealis pred 45 rokom veku	4
<b>LDL-C mmol/l</b>	
LDL-C ≥8.5	8
LDL-C 6.5–8.4	5
LDL-C 5.0–6.4	3
LDL-C 4.0–4.9	1
DNA analýza, potvrdená mutácia v géne <i>LDLR</i> , <i>APOB</i> , <i>PCSK9</i>	8
Diagnóza:	Skóre:
definitívna	≥8
pravdepodobná	6–7
možná	3–5
nepravdepodobná	<3

### Hypercholesterolémia u detí a adolescentov:

do 16 rokov LDL-C ≥4,0 mmol/l

nad 16 rokov LDL-C ≥4,9 mmol/l

LDL-C ≥5 mmol/l v 2 odberoch následne po 3 mesiacoch napriek dietnym opatreniam u detí do 10r. LDL-C ≥4 mmol/l

LDL-C ≥3,5 mmol/l + patogénna mutácia u rodiča

**Informácia o vyšetrení:** Familiárna hypercholesterolémia tvorí skupinu autozómovo dedičných ochorení spôsobených mutáciami v génoch pre LDL receptor (*LDLR*), v géne pre Apolipoproteín B-100 (*APOB*) alebo Proproteinkonvertázu subtilisin/kexin typ 9 (*PCSK9*) – autozómovo dominantné hypercholesterolémie, raritne v géne pre LDL receptor adaptor protein (*LDLRAP1*, známy aj ako ARH) - autozómovo recessívna hypercholesterolémia. Odhaduje sa, že mutácie v týchto troch génoch tvoria 70-95% prípadov FH (genereviews.org). FH je charakterizovaná výrazne zvýšenou hladinou LDL cholesterolu, šľachovými xantómami a zvýšeným rizikom koronárnej srdcovej choroby. Ochorenie sa vyskytuje v miernejšej **heterozygotnej (heFH)** a závažnej **homozygotnej forme (hoFH)**. **Heterozygoti pre FH** majú patogénny variant v heterozygotnej forme v jednom z troch génov (*LDLR*, *APOB*, *PCSK9*), prevalencia je 1:200-500 (priemerné hodnoty TC: 8-15 mmol/l). **Homozygotná forma FH** môže byť zapríčinená bialelovým patogénnym variantom v jednom z uvedených génov, alebo prítomnosťou jedného patogénneho variantu v dvoch rôznych uvedených génoch. Prevalencia je 1:160000 až 1:1000000 (priemerné hodnoty TC: 12-30 mmol/l). (Nordestgaard et al 2013, genereviews.org). Bez adekvátnej liečby sa u heterozygotnej formy vyvíjajú príznaky KVO u mužov v priemere vo štvrtej dekáde a u žien v piatej dekáde života (častejšie koronárna srdcová choroba ako NCMP, Huxley et al. 2013). U pacientov s homozygotnou formou sa manifestujú závažné KV príhody v detstve, v priemere v druhej dekáde života (Kees Hovingh et al, 2013). **Molekulovo genetické vyšetrenie je indikované v prípade skóre DLNCS (Dutch Lipid Clinic Network Score) nad 5 (v prípade definitívnej alebo pravdepodobnej diagnózy), alebo v prípade splnenia kritérií podľa Simona Brooma.** U detí a adolescentov nie je táto schéma aplikovateľná a z tohto dôvodu sú používané kritériá podľa European Atherosclerosis Asociation. Sekvenčná analýza neodhalí veľké delécie a duplikácie v géne *LDLR*, preto v druhom kroku, v prípade že použitím sekvenčnej analýzy nie je potvrdená prítomnosť patogénneho variantu, je indikovaný duplikačno/delečný skrínning (analýza metódou MLPA), eventuálne následne sekvenčná analýza génu *PCSK9*.

Indikácia klinického genetika (Indikované v ÚLB, G a KG LFUK a UNB na základe DLCN a RA):

.....  
Pečiatka a podpis